

SUPPLEMENTAL MATERIAL

Shirai et al., <http://www.jem.org/cgi/content/full/jem.20150900/DC1>

Table S1. Primer sequences

Gene name	Forward primer (5'-3')	Reverse primer (5'-3')
<i>ACTB</i>	GATCATTGCTCCTCTGAGC	CGTCATACTCCTGCTTGCTG
<i>CCL18</i>	CAAGCCAGGTGTCATCCTCC	GGGCATAGCAGATGGGACTC
<i>CCR1</i>	CTTGGAACCAAGAGAGAAGCCG	CCTCTCGTTCACCTTCTGGC
<i>CCR2</i>	AGCCACAAGCTGAACAGAGA	TGGTGACTTCTTACCAGCTC
<i>CCR5</i>	CAAAAAGAAGGTCTTCATTACACC	CCTGTGCCTCTTCTTCTCATTTCC
<i>CCR7</i>	GGACCTGGGAAACCAATGA	AAAGTCCCGCACGTCCTTCT
<i>CD163</i>	GACAGCGGCTTGCAAGTTTC	GTGTGGCTCAGAATGGCCT
<i>CD206</i>	CACGATCCGACCTTCTCTTG	TGTCTCCGCTTTCATGCCATT
<i>CD62L</i>	GCCCTCTGTTACACAGCTTCT	GGCCCATAGTACCCACATC
<i>CX3CR1</i>	TCCTTCTGGTGGTATCG	TGTGCATTGGGTCCATCA
<i>CXCR1</i>	GGCCGGTGTCTCAGTTAGAT	GGGCATAGGCGATGATCACA
<i>CXCR4</i>	AGCTGTTGGCTGAAAAGGTGGTCTATG	CGCCTTCTGGTGGCCCTTGGAGTGTG
<i>GLUT1</i>	TATGTGGAGCAACTGTGTGGT	TCCGGCCTTTAGTCTCAGGA
<i>GLUT2</i>	CGGCTGGTATCAGCAAACCT	AGAAAGAGAGAACGTCGCC
<i>GLUT3</i>	GTCATGATCCCAGCGAGACC	CTGGGTGACCTTCTGTGTG
<i>GLUT4</i>	TAGGCTCCGAAGATGGGGAA	CCCAGCCAGCTCATTGTGA
<i>CYBB</i>	GTCTCAGGCCAATCACTTTGC	CATTATCCCAGTTGGCCGT
<i>HIF1A</i>	CAAGAACCTACTGCTAATGC	TTATGTATGTGGTAGGAGATG
<i>HK2</i>	ACGGAGCTCAACCATGACCAA	AAGATCCAGAGCCAGGAATC
<i>IFNB1</i>	GCACTGGCTGGAATGAGACT	TGCTCATGAGTTTTCCCCTGG
<i>IFNGR1</i>	ACCAGATCATGCCACAGGTCCC	CCAACCCTGGCTTAACTCTGACCC
<i>IFNGR2</i>	AACAATGGCAGATGCCTCCA	GGATGCTTGGTGGAGTGTGA
<i>IL1B</i>	CAGGCTGCTCTGGGATCTC	GTCCTGGAAGGAGCACTTCAT
<i>IL6</i>	AGTTCCTGCAGAAAAGGCAAAG	ATTTGCCGAAGAGCCCTCAG
<i>IRAK3</i>	CTCGGTCTCTGTGGCAGTA	TTCTAGGTGGGACCGAAGT
<i>ITGA4</i>	ACAACACGCTGTTCCGGCTA	CTCCATTAGGGCTACCCAGC
<i>ITGB2</i>	GTCAGGACTTTACGACCCGC	CACTCCTGAGAGAGGACGCA
<i>KLF2</i>	CCATGGCGCTGAGTGAACC	GAAGTCCAGCACGCTGTTGAG
<i>KLF4</i>	TACCAAGAGCTCATGCCACC	GGTGTGCCTTGAGATGGGAA
<i>MYC</i>	TACAACACCCGAGCAAGGAC	GAGGCTGCTGGTTTTCCACT
<i>NOX1</i>	CTGTTGCCTAGAAGGGCTCC	ACAGGCCAATGTTGACCCAA
<i>NOX3</i>	ACCGGCTGGGATGAAAATCA	CAATACTGCTGCTGGGGTGA
<i>NOX4</i>	AGTCTTTGACCCTCGTCTCT	GAGAGCCAGATGAACAGGCA
<i>NOX5</i>	CCTGAAGGCTGTAGAGGCAC	CGCTCTGCAAAAGAGACTCT
<i>DUOX1</i>	GTATGTCTTTGCCTCCCACC	GAAGAAGATGTGGAAACGGG
<i>DUOX2</i>	AGTGAGGGTGAAGGCAAGAAG	CCAGTCAAGAGCTCCCAG
<i>NQO1</i>	GGGCAAGTCCATCCCAACTG	GCAAGTCAAGGAAAGCCTGGA
<i>PDK1</i>	AGTGCCTCTGGCTGGTTTTG	GCACTGTCCCGTAACCCTC
<i>PFK1</i>	CTGTACTCATCAGAGGGCAAG	TGCCAGCATCTTCCAGCATGAG
<i>PFKFB3</i>	CTTGTCGCTGATCAAGGTGA	TTCTGCTCCTCCAGGAATTT
<i>PGK1</i>	GGGTGCTTATGAGAGTCGACT	AGGTGGCTCATAAGGACTACC
<i>PKM1</i>	CGAGCCTCAAGTCACTCCAC	GTGAGCAGACTGCCAGACT
<i>PKM2</i>	ATTATTTGAGAACTCCGCCCTC	ATTCCGGTCCACAGCAATGATGG
<i>PPARG</i>	GGCTTCATGACAAGGGAGTTTC	AACTCAAACCTGGGCTCCATAAAG
<i>PSGL1</i>	TCCTCCTGTTGCTGATCCTACTG	TACTCATATTCGGTGGCCTGTCT
<i>S1PR1</i>	CCTGCTTGAGCGAGGCTG	GTAGTCAGAGACCGAGCTGC
<i>S1PR2</i>	CTAGCCAGTTCTGAAAGCCCC	TGTTCTGGACCTTGTGGG
<i>S1PR3</i>	GACGGAGGAGCCCTTTTTCAA	GAGGGCAGTTGCCATCACTT
<i>SCARB1</i>	TCCTCACTTCTCAACGCTG	TCCAGTTTGTCCAATGCC
<i>SOCS1</i>	TCTCACCTCTTGAGGGGCTC	AGAGGTAGGAGGTGGGAGTT
<i>SOCS3</i>	GGAGACTTCGATTCGGGACC	GAAACTTGTGTGGGTGACC
<i>TLR4</i>	TGGAAGTTGAACGAATGGAATGTG	ACCAGAAGTGTACAACAGATACT
<i>TNF</i>	GCTGCACTTTGGAGTGATCG	GCTTGAGGGTTTGTACAACA
<i>TNFAIP3</i>	CGTCCAGGTTCCAGAACCATTCC	TGCGCTGGCTCGATCAGTTG
<i>TOLLIP</i>	CAACCTCGTCATGCTCTAC	GCTGGTACACTGTTGGCATC